

基于全基因组关联分析筛选山桐子性别分子标记

背景

1 材料与方法

1.1 材料

1.2 方法

1.2.1 DNA 提取、建库和重测序

1.2.2 K-mers 分析

1.2.3 全基因组关联分析(genome-wide association study, GWAS)

1.2.4 CAPS 标记设计及验证

2 结果与讨论

2.1 山桐子性别决定类型

2.2 山桐子性别关联的 GWAS

2.3 山桐子性别分子标记开发

2.4 讨论与结论